

Genetische Algorithmen
Übungen zu genetischen Operatoren

* Aufgabe 1

Wie gross ist die Wahrscheinlichkeit, dass die **fett unterstrichen** markierte Gruppe von Genen durch Mutation mit $p_m = 0.01$ *nicht verändert* wird ?

1010010101000101101101010100101011001011110111

** Aufgabe 2

Betrachten Sie einen Bitstring der Länge L . Wie groß ist die Wahrscheinlichkeit, dass das Ergebnis eines $L-1$ Punkt-Crossovers das gleiche ist wie bei einem uniformen Crossover mit $p_c = 0.5$?

* Aufgabe 3

Betrachten Sie folgende beiden Chromosome mit jeweils vier Genen (g_1, \dots, g_4):
 $A = (10.5, 20.0, 5.4, 40.2)$ und $B = (19.0, 10.4, 4.6, 4.8)$. Wie sehen die Nachkommen bei einer *einfachen arithmetischen Rekombination* mit $k=2$, einer *single arithmetic recombination* mit $k=3$, und einer *whole arithmetic recombination* aus? In allen Fällen soll $f=0.1$ sein. Hinweis: $k=j$ bedeutet, dass die Chromosomen zwischen g_j und g_{j+1} aufgetrennt werden.

** Aufgabe 4

Betrachten Sie folgende beiden Chromosomen mit jeweils neun Genen (g_1, \dots, g_9), welche die Permutation von Städten in einer Rundreise repräsentieren: $A = (8, 4, 3, 7, 2, 9, 1, 5, 6)$ und $B = (2, 9, 5, 3, 1, 6, 4, 7, 8)$. Wie sehen deren Nachkommen nach Anwenden des *PMX-Operators* mit $k_1=3$ und $k_2=7$ aus? Wie sehen deren Nachkommen nach Anwenden des *OX-Operators* mit $k_1=3$ und $k_2=7$ aus? Hinweis: $k_i=j$ bedeutet, dass die Chromosomen zwischen g_j und g_{j+1} aufgetrennt werden.

** Aufgabe 5

Betrachten Sie folgende beiden Chromosomen mit jeweils neun Genen (g_1, \dots, g_{13}), welche die Permutation von Buchstaben repräsentieren: $A = (a, b, c, d, e, f, g, h, i, j, k, l, m)$ und $B = (c, h, f, g, i, a, j, m, k, l, e, d, b)$. Wie sehen deren Nachkommen nach dem Anwenden des *Cycle Crossover Operators* aus? Wie viele, und welche Zyklen gibt es?

*** Aufgabe 6

Auf dem Weg zur „Genetische Algorithmen“-Vorlesung kommen Sie bei Ihrem Obsthändler vorbei und sehen, wie er Orangen zu einer Pyramide auftürmt. Sie fragen sich ob dies eine besonders *platzsparende* Methode ist, und ob es vielleicht noch bessere Möglichkeiten gibt, Orangen zu stapeln. Skizzieren Sie einen genetischen Algorithmus, der Ihnen bei der Untersuchung dieser Frage weiterhilft.

Lösungen

Aufgabe 1

Die Wahrscheinlichkeit dass ein Bit geändert wird, ist p_m . Somit ist die Wahrscheinlichkeit, dass ein Bit *nicht* geändert wird also $(1 - p_m)$. Da bei der Mutation jedes Bit *unabhängig* voneinander betrachtet wird, ist die Antwort auf diese Aufgabe davon abhängig, wieviele Bits es in der betrachteten Gruppe gibt. In unserem Fall sind dies 7 Bits. Die Wahrscheinlichkeit dass diese Gruppe durch Mutation nicht verändert wird, beträgt also $(1 - p_m)^7$.

Aufgabe 2

Bei einem Bitstring der Länge L führt ein $L-1$ Punkt-Crossover zu einem Reißverschluss-artigem Austausch der Gene: aus $A=(a_1, a_2, a_3, a_4, \dots, a_l)$ und $B=(b_1, b_2, b_3, b_4, \dots, b_l)$ wird also $NK_1=(a_1, b_2, a_3, b_4, \dots)$ und $NK_2=(b_1, a_2, b_3, a_4, \dots)$. Ob das letzte Gen von NK_1 von A oder B stammt hängt davon ab, ob L gerade oder ungerade ist, die Lösung zu dieser Aufgabe ist aber davon unabhängig.

Ein uniformer Crossover mit $p_c=0.5$ kann hier durch L Münzwürfe durchgeführt werden. Dabei muss abwechselnd Kopf und Zahl erscheinen, damit das jeweils betrachtete Gen vom A- bzw. B-Elternteil übernommen wird und sich somit das Reißverschluss-Muster ergibt. Die Wahrscheinlichkeit hierfür beträgt p_c^L .

Aufgabe 3

$A = (10.5, 20.0, 5.4, 40.2)$ und $B = (19.0, 10.4, 4.6, 4.8)$

Einfache arithm. Rekombination: $NK_1 = (19.0, 10.4, 4.68, 8.34)$ und $NK_2 = (10.5, 20.0, 5.32, 36.66)$

Single arith, Recombination: $NK_1 = (19.0, 10.4, 4.68, 4.8)$ und $NK_2 = (10.5, 20.0, 5.32, 40.2)$

Whole arith. Recombination: $NK_1 = (18.15, 11.36, 4.68, 8.34)$ und $NK_2 = (11.35, 19.04, 5.32, 36.66)$

Aufgabe 4

PMX-Operator: $(8, 2, 7, 3, 1, 6, 4, 5, 9)$ und $(4, 6, 5, 7, 2, 9, 1, 3, 8)$.

OX-Operator: $(3, 6, 4, 7, 2, 9, 1, 8, 5)$ und $(7, 2, 9, 3, 1, 6, 4, 5, 8)$.

Aufgabe 5

Ergebnis des Cycle-Crossovers: $(a, h, c, d, i, f, g, m, k, j, e, l, b)$ und $(c, b, f, g, e, a, j, h, i, l, k, d, m)$.

Es gibt vier Zyklen:

Zyklus 1 lautet: $a \rightarrow c \rightarrow f \rightarrow a \dots$

Zyklus 2 lautet: $b \rightarrow h \rightarrow m \rightarrow b \dots$

Zyklus 3 lautet: $d \rightarrow g \rightarrow j \rightarrow l \rightarrow d \dots$

Zyklus 4 lautet: $e \rightarrow i \rightarrow k \rightarrow e \dots$

Aufgabe 6

Idealisieren Sie die Orangen durch gleich große Kugeln. Ein Lösungskandidat besteht aus einem Vektor von 3D-Koordinaten (x_i, y_i, z_i) der Mittelpunkte von n Kugeln. Die Population besteht aus m Lösungskandidaten. Die Fitnessfunktion beschreibt das Volumen des umfassenden Quaders zu allen n Kugeln eines Lösungskandidaten und wird *minimiert*. Durchschneiden sich zwei Kugeln, weil ihre Mittelpunkte weniger als $2 \cdot r$ voneinander entfernt sind, dann ist die Fitness ein sehr hoher Wert, um solche ungültigen Lösungskandidaten als schlecht zu bewerten. Man kann einen der drei arithmetischen Crossover-Operatoren verwenden. Bei der Mutation bietet sich *creep mutation* an.